TABLE 2

DEC 2 3 7	30 30 ts				TAB	TABLE 2			
	130 John West								
	combined	female	male	allele	forward primer lp1	Reverse primer rol	locus	name	date-start
					CTCAAGAGAATAGAACCAAT (SEQ ID NO:99)	AGACGGAAACCAAATGGA (SEQ ID NO:100)	GATA145E01		
	1.3	2.7	0	7	actctgaaggctgagatggg (SEQ ID NO:101)	ctgaaccgcagatcccc (SEQ ID NO:102)	D4S432		
	0	0	0	3	tcagaaacccctacaggaaa (SEQ ID NO:103)	tttgatgagttattcggagg (SEQ ID NO:104)	D4S2925	1	
	4.1	2.2	6.2	7	acctcactggaaactaaatgg (SEQ ID NO:105)	tgaacagcagcggtct (SEQ ID NO:106)	D4S3023		
	1.4	0	1.9	10	aggcatactaggccgtatt (SEQ ID NO:65)	ttcccatcagcgtcttc (SEQ ID NO:66)	D4S431	Hamisha	Sep. 96
							D4S2366	Brian	4/7/97
	0.1	1.6	1.6	9	getcacagaagtgeccaata (SEQ ID NO:67)	ccctgggtgaagtttaatctc (SEQ ID NO:68)	D4S2935	Melissa	Nov. 96
	2.2	2.2	0	3	atttttgctacattggtgacata (SEQ ID NO:69)	cttcaggttctactagttcatgg (SEQ ID NO:78)	D4S3007	Melissa	Nov. 96
	1.6	3.7	0	8	ccettgagcatcetgacttc (SEQ ID NO:71)	gagtgagccctgtactcca (SEQ ID NO:72)	D4S394	Sharon	Nov. 96
	0	0	0	4	gggcatcatgtctgcaa (SEQ ID NO:107)	aggttccctgaatgttcg (SEQ ID NO:108)	D4S2923		
	5.8	8.3	3.3	13	tgtccagttggcaggg (SEQ ID NO:109)	ggtcgcattcattcgc (SEQ ID NO:110)	D4S2983	optimized	
	0.1	0	0	6	atggctgtgaatcaaccc (SEQ ID NO:111)	aatcctttgaagacggccc (SEQ ID NO:112)	D4S3009		
	0	0	0	9	atcagggttctccacacaaa (SEQ ID NO:73)	ttggttgaaacttgtggatataaa (SEQ ID NO:74)	D4S1582	Hamisha	Sep. 96
	0	0	0	7	atagacgfgttcctggtgg (SEQ ID NO:113)	ctcaggctatttatggggtg (SEQ ID NO:114)	D4S2928		
	0	0	0	4	cattctagtagttattggcttatcc (SEQ ID NO:75)	cagttgcttgatacctatattttc (SEQ ID NO:76)	D4S1605	TOSS	
	1.1	1.1	1.1	7	ccttaaaagtatccagtaaagcaca (SEQ ID NO:115)	caaggttgtcctgtgtctgc (SEQ ID NO:116)	D4S1599	Melissa	Nov. 96
	0	0	0	9	cagtctagattcaaaggaattagac (SEQ ID NO:117)	aattagagatgcccgtgaaa (SEQ ID NO:118)	D4S2906		
	0	0	0	<i>L</i>	agctfcttgctgtgtcc (SEQ ID NO:119)	aagggtgggctctat (SEQ ID NO:120)	D4S3036		
						(

RECEIVED

DEC 2 7 2002 TECH CENTER 1600/2900

1.2	1.1	1.1	9	ccttacggataggggag (SEQ ID NO:77)	ctaatgtccaggtctacggc (SEQ ID NO:78)	D4S2949	Hamisha	Sep. 96
0.4	1.1	0	9	agattctggcctccttgc (SEQ ID NO:121)	cctggtgaagtggtgg (SEQ ID NO:122)	D4S2944		
0.1	0	0	7	caaatgcccatcaatcaac (SEQ ID NO:123)	gggtccagtctcatccac (SEQ ID NO:124)	D4S2942		
0.1	0	0	9	ccagatgggttccaaatga (SEQ ID NO:125)	tgtggactgagtagagagtgcc (SEQ ID NO:126)	D4S1602		}
0	0	0	S	ccccaaaggaatcagatg (SEQ ID NO:127)	gatettgaaatttteccatttt (SEQ ID NO:128)	D4S2984		
3.3	1.1	5.4	7	aggtggccctgagtaggagt (SEQ ID NO:79)	tttgagggaatgatttgggt (SEQ ID NO:80)	D4S403		

female	males	allele	forward primer lpl	reverse primer rpl	locus	name	date- start
			agcccaggaggtgaag (SEQ ID NO:129)	gagatttctaggaaacattgag (SEQ ID NO:130)	D4S1564		
			agagtagtttccatctttgttttc (SEQ ID NO:131)	gggcaaggctcatcac (SEQ ID NO:132)	D4S1611		
			acatggagaatcttttagtagca (SEQ ID NO:133)	cttttgagataccctatcagt (SEQ ID NO:134)	D4S1573		
1			ggacctccttgttcg (SEQ ID NO:135)	cccttaggttgcttgt (SEQ ID NO:136)	D4S427	Cary	
			TTTAGTTGAATGGCTGAGTGG (SEQ ID NO:137)	TGAGCCAATTCCCCTAATAA (SEQ ID NO:138)	GATA30B11		
			CCACAAAGACAGAATCAATAG (SEQ ID NO:139)	TCTCAACCTCCATAACTGTG (SEQ ID NO:140)	UT7161		
			(SEQ ID NO:141)	TCAACACAAACCAATGTGG (SEQ ID NO:142)	ATA26F08		
l .			ttacactgaagaatgtgagagcc (SEQ ID NO:143)	ggccttggaactactgatgg (SEQ ID NO:144)	D4S2985		
!			ccttgggtcagccacatattc (SEQ ID NO:145)	cactcagaacagaaacttgggt (SEQ ID NO:146)	D4S1615		
			ACTGGTATGTCCTAACCCCC (SEQ ID NO:147)	GATCTGCAGTTGGATTCTGG (SEQ ID NO:148)	ATA26B08		
			GCTGCACCTTAGACTAGAT (SEQ ID NO:149)	TTAGTAGCTTCTCAGCAGC (SEQ ID NO:150)	UT6123		
			(SEQ ID NO:151)	GGCAGCAAACTATGGTATGTAA (SEQ ID NO:152)	UT723		:
			(SEQ ID NO:153)	CTTCTTTCTCTTTTTTCCCTG (SEQ ID NO:154)	UT1376		
			ggtgatccactgcct (SEQ ID NO:155)	aagccactgaccttcact (SEQ ID NO:156)	D4S429		
j !	0	∞	gacagcctattgtagtaacttgtgg (SEQ ID NO:157)	tagtcagggtgctctagggg (SEQ ID NO:158)	D4S3039		

TABLE 3

atgggtactttttgaatcacatcc (SEQ ID NO:159)	
agcttccatggtcattagagt (SEQ ID NO:161)	[
AATGCTTATCTACCAATGAGTG (SEQ ID NO:81)	U I
ggcaagantccgtctcaa (SEQ ID NO:83)	
attgmcatatcatcacctgg (SEQ ID NO:163)	
agctactcaggnaggctg (SEQ ID NO: 165)	
ccccaccttcctgac (SEQ ID NO: 167)	
agggaggtcatcagttcatt (SEQ ID NO: 85)	, 1
(SEQ ID NO: 169)	
(SEQ ID NO: 171)	
tttacagtttcaaaatgggttc (SEQ ID NO: 173)	
ttetttgattettegggg (SEQ ID NO: 87)	
(SEQ ID NO: 89)	. !
TAAAACTTCTGAATGAAAAG (SEQ ID NO: 91)	רי
tgcaaactgtcactcaaaag (SEQ ID NO: 93)	' ا
GGCCAACAGAGCAGGATC (SEQ ID NO: 175)	
gcgctcttggtatatggtacag (SEQ ID NO: 95)	
ggttatttagttagtaacgcatc (SEQ ID NO: 177)	

				GACTCCAAATCACATGAGCC (SEQ ID NO: 97)	GTCTCTGCATTTGCTGGTTT (SEQ ID NO: 98)	D4S1625	Ashima	4/7/97
0	0	0	4	tegtgcccagccaagt (SEQ ID NO: 179)	ttgctcacaggattgcttct (SEQ ID NO: 180)	D4S1604		
				attitcatgcattcgttagaattit (SEQ ID NO: 181)	tctaggtgatggtgatgctg (SEQ ID NO: 182)	D4S1561		
				gcatgtaccattgccagg (SEQ ID NO: 183)	cccagagtgctgatgtgtg (SEQ ID NO: 184)	D4S1586	Cary	6/1/97
				aaagttccaatctccc (SEQ ID NO: 185)	tcttatgctgcaatcactg (SEQ ID NO: 186)	D4S1549	5	
				tgccataaacaaggtgaaac (SEQ ID NO: 187)	tracccaactgctacaccat (SEQ ID NO: 188)	D4S1548		
				TTCAATACTCCTGTATCACAAAG (SEQ ID NO: 189)	TGAGACACAATCTGAGCTATGC (SEQ ID NO. 190)	GATA72A08	Cary	6/1/97
				TGGTTCTGCTTTTTCTCTCC (SEQ ID NO: 191)	TTTAACAGACAAATGACAAATCTG (SEO ID NO 192)	GATA8A05		
1.4	2.5	0.1	∞	agcttgtgcatgtgtgca (SEQ ID NO: 15)	caaagtcccagcaggttc (SEO ID NO: 16)	D6S1600		
5	1.3	8.8	6	ctccagcctgggtcacta (SEQ ID NO: 1)	ctaatgcatgacaataatatttcca (SEQ ID NO: 2)	D6S344	optimized	
0	0.4	0.1	15	aatcactgttacccatagggttatc (SEQ ID NO: 193)	aggccaagacctctgtgc (SEQ ID NO: 194)	D6S1713	optimized	
2.2	1.8	2.2	15	tgcaaaacaggcacacatac (SEQ ID NO: 195)	ttaatcaatttctgcaaagataaa (SEQ ID NO: 196)	D621617	optimized	
0	0.1	0.1	6	gtatagccaactgcttccaa (SEQ ID NO: 197)	gggfnccaftfattgagatt (SEQ ID NO: 198)	D6S1668	Melissa	2/28/97
0	0.1	0.1	2	tgtttcagcagcataggg (SEQ ID NO: 199)	agagcctgtttggtgtcatc (SEQ ID NO: 200)	D6S1591		
0	0.1	0.1	9	gtttccaagggctggg (SEQ ID NO: 201)	gaaatcaaaataacacatctctg (SEQ ID NO: 202)	D6S1677	1	
0.1	0.1	0.1	3	tacactaatggctctctgg (SEQ ID NO: 203)	gccagatttctctgctgtag (SEQ ID NO: 204)	D6S1685	optimized	
2.7	4.3	1.1	12	aagaacttcccaaaccaat	aaccatccaggacatcaa	D6S1574	Maria	4/7/97

;				(SEQ ID NO: 205)	(SEQ ID NO: 206)			
0	0.1 0.1	0.1	4	tcaaggctttctgaggc (SEQ ID NO: 207)	agcatggattctgttgtttg (SEQ ID NO: 208)	D6S1598		,
0.7	1.1	0.1	7	agccaggcatgctaacat (SEQ ID NO: 209)	ggattacaggcacccagta (SEQ ID NO: 210)	D6S1640	optimized	
1.5	1.1	2.2	8	ccttgagcaccttaaattt (SEQ ID NO:211)	taactgacaaagcagaatagca (SEQ ID NO: 212)	D6S1547	optimized	
0	0.1	0.1	11	ccttaaacaaacaataagaccacc (SEQ ID NO: 213)	cagcctagaaaacagagcca (SEQ ID NO: 214)	D6S1674		

-	•																
	GATA161F06	GATA21F07	GATA51B02	GATA53C06	GGAA29H03	GGAT12E07	UT1213	UT1585	ATA26B08	ATA26F08	D4S1548	D4S1549	D4S1561	D4S1564	D4S1573	D4S1586	D4S1602
	GAATCTCATCTACCCTGTTTGG (SEQ ID NO: 216)	GGTCGAGATCATGACCTCTC (SEQ ID NO: 218)	TCATCTCCCTGTTTGGTAGC (SEQ ID NO: 220)	TGTCTGGAGCTTTTCAGTC (SEQ ID NO: 222)	GGTTGACTCTTTCCCCAACT (SEO ID NO: 224)	CCTCTTCTCCATGAGGACCT (SEQ ID NO: 226)	TGATTGGCTTTTTTTACTTAC (SEQ ID NO: 228)	TTTTGGAGCTGGGGATGTC (SEQ ID NO: 230)	GATCTGCAGTTGGATTCTGG (SEQ ID NO. 148)	TCAACACAAACCAATGTGG (SEQ ID NO. 142)	ttacccaactgctacaccat (SEQ ID NO. 188)	tettatgetgeaateactg (SEQ ID NO. 186)	tctaggtgatggtgatgctg (SEQ ID NO. 182)	gagattctaggaaacattgag (SEQ ID NO. 130)	cttttgagatacccctatcagt (SEQ ID NO. 134)	cccagagtgctgatgtgtg (SEQ ID NO. 184)	tgtggactgagtagagtgcc (SEQ ID NO. 126)
	GAGGTTGCTTGAAATCCATG (SEQ ID NO: 215)	ATACTCCGAGCTATCTGTCTACC (SEQ ID NO: 217)	CATGGATGCAGAATTCACAG (SEQ ID NO: 219)	GGTTTGCTGGCATCTGTATT (SEQ ID NO: 221)	ACCTGTTGTATGGCAGCAGT (SEQ ID NO: 223)	GTCTGTCCATCCATTCATCC (SEQ ID NO: 225)	ACTTAAATGTCCATCAATAAAT (SEQ ID NO: 227)	TGAACTCCGGCCTGGGTGA (SEQ ID NO: 229)	ACTGGTATGTCCTAACCCCC (SEQ ID NO: 147)	TTTGATTTCCTGCAGTTGGT (SEQ ID NO: 141)	tgccataaacaaggtgaaac (SEQ ID NO: 187)	aaagttccaatctccc (SEQ. ID NO. 185)	atttcatgcattcgttagaatttt (SEQ ID NO. 181)	agcccaggagggaag (SEQ ID NO. 129)	acatggagaatcttttagtagca (SEQ ID NO. 133)	gcatgtaccattgccagg (SEQ ID NO. 183)	ccagatgggttccaaatga (SEQ ID NO. 125)
	5	0.63	0.77	0.87	0.8	0.75	9	7	0.81	0.87	6	9	7	12	5	7	9
	174-190	189-205	148-168	178-210	223-243	177-193	213	213	235-259	222-234	245-271	203-217	294-306	220-242	101-113	103-117	222-233
	13	13	13	13	13	13	13	13	4	4	4	4	4	4	4	4	4

											1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	**************************************					
D4S1611	D4S1615	D4S2985	D4S422	D4S424	D4S427	D4S249	GATA145E01	GAT30B11	GATA72A08	GATA8A05	UTI508	UT2021	UT6123	UT7161	UT7738	UT7739	UT7953
gggcaaggctcatcac (SEQ ID NO. 132)	cactcagaacagaaacttgggt (SEQ ID NO. 146)	ggccttggaactactgatgg (SEQ ID NO. 144)	tgaagtaaaatttgggagattgt (SEQ ID NO. 84)	tgtgggcancgtcactc (SEQ ID NO. 96)	cccttaggttgcttgt (SEQ ID NO. 136)	aagccactgaccttcact (SEQ ID NO. 156)	TAAGACGGAAACCAAATGGA (SEQ ID NO. 100)	TGAGCCAATTCCCTAATAA (SEQ ID NO. 138)	TGAGACACAATCTGAGCTATGC (SEQ ID NO. 190)	TTTAACAGACAAATGACAAATCTG (SEQ ID NO. 192)	TGCTGCTATATGCTTTGCAG (SEQ ID NO. 232)	GAACCAGCCTCGGATACC (SEQ ID NO. 234)	TTAGTAGCTTCTCAGCAGC (SEQ ID NO. 150)	TCTCAACCTCCATAACTGTG (SEQ ID NO. 140)	GCACAAGAATCAGATAAGGA (SEQ ID NO. 236)	AATCATGTGAACCAGTTTCC (SEQ ID NO. 238)	GGTGCTGGGATTCGGTGCA (SEQ ID NO. 240)
agagtagtttccatctttgttTc (SEQ ID NO. 131)	ccttgggtcagccacatatc (SEQ ID NO. 145)	ttacactgaagaatgtgagagcc (SEQ ID NO. 143)	ggcaagantccgtctcaa (SEQ ID NO. 83)	gegetettggtatatggtacag (SEQ ID NO. 95)	ggacctccttgcttcg (SEQ ID NO. 135)	ggtgatccacctgcct (SEQ ID NO. 155)	CTCAAGAGAAATAGAACCAATAA (SEQ ID NO. 99)	TTTAGTTGAATGGCTGAGTGG (SEQ ID. NO. 137)	TTCAATACTCCTGTATCACAAAG (SEQ ID NO. 189)	TGGTTCTGCTTTTTCTCTCC (SEQ ID NO. 191)	CCTCAGTTTTCTCTCCTGC (SEQ ID NO. 231)	TGGGTGACAGAGCTAGTCC (SEQ. ID NO. 233)	GCTGCACCTTAGACTAGAT (SEQ ID NO. 149)	CCACAAAGACAGAATCAATAG (SEQ ID NO. 139)	TTGCAGTGAGAAGAGATTGT (SEQ ID NO. 235)	ACCCTGTACTTGTCAAGGTT (SEQ ID NO. 237)	TGGTGGGTCTGCGTGTGTG (SEQ ID NO. 239)
5	5	8	8	8	10	8	111	8.0	5	89.0	10	4	2	9	5	9	7
277-285	115-125	248-262	75-97	178-292	142-166	193-207	161-229	289-305	202-218	151	249	338	291	<361	<314	206	290
4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4	4